

LÀ OÙ IL Y A DES GÈNES, IL Y A DU PLAISIR: RÉALISATION ET ÉVALUATION D'UNE FORMATION EN BIO-INFORMATIQUE

Natalie Clairoux, M. Sc., M.S.I.
Bibliothécaire

Demi-journée CREPUQ
8 avril 2010

LA BIO-INFORMATIQUE EN BIBLIOTHÈQUE ?!

Ce qui se fait ailleurs

SONDAGE DU TERRAIN

Parties prenantes à consulter

DESCRIPTION DU NOUVEAU SERVICE

Activité de formation, référence spécialisée et guide en ligne

ÉVALUATION DE LA FORMATION

Utilité et actions futures

De la bio-informatique en bibliothèque ?!





NIH Library | Research Tools | Bioinformatics Program Staff

Bioinformatics Program Staff

Ask A Librarian →

Search Library Site

 →

Quick Links

Bioinformatics

Going Green

Online Books

Online Catalog

Online Databases

Online Journals

Order a Document

PubMed @ NIH

Remote Access

Scopus

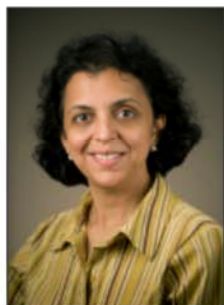
UptoDate

Web of Science

Sign-Up For

Library Email News

Med Doc Del



Dr. Medha Bhagwat, Informationist has a PhD in biochemistry from the University of Maryland, College Park, and has conducted postdoctoral training at NIDDK focusing on the structure-function studies of bacteriophage T4 RNase H. Medha **published several articles** on her research, as well as book chapters on bioinformatics classes/protocols.

From 2001 to 2008 she taught at the NCBI Core-Bioinformatics Facility training the representatives from NIH institutes in the use of the NCBI bioinformatics tools. Medha also developed and taught several 2-hour **mini-courses**, which describe the effective use of a set of bioinformatics tools. The courses were taught more than 400 times to about 12,000 participants.

She conducts tutorials on using bioinformatics resources available through the NIH Library, NCBI's **Databases** and **Tools for Data Mining**, and other bioinformatics resources such as **Biobase**, **DAVID**, **Ensembl**, and the **UCSC Genome Browser**.



Dr. Lynn Young has over twenty years of experience in the fields of computational biology and bioinformatics. She received her Ph.D. in physics from Purdue University where she studied vibrational modes of DNA. She worked in the field of structure-based drug design at NCI-Frederick and most recently worked in the Division of Computational Bioscience at the Center for Information Technology at NIH.

There she analyzed microarray data; developed web applications; led the development of the genomics component of the National Database for Autism Research (NDAR); and coordinated ontology development for NDAR. Lynn joined the NIH Library in August of 2010 to provide bioinformatics training, consulting, and programming.



Réseau de collègues spécialisées en bio-informatique

Molecular Biology and
Genomics Special
Interest Group



MEDICAL LIBRARY
ASSOCIATION

LA BIO-INFORMATIQUE EN BIBLIOTHÈQUE ?!

Ce qui se fait ailleurs

SONDAGE DU TERRAIN

Parties prenantes à consulter

DESCRIPTION DU NOUVEAU SERVICE

Activité de formation, référence spécialisée et guide
en ligne

AUTRES POSSIBILITÉS DE COLLABORATION

Veille informationnelle, EndNote, etc.

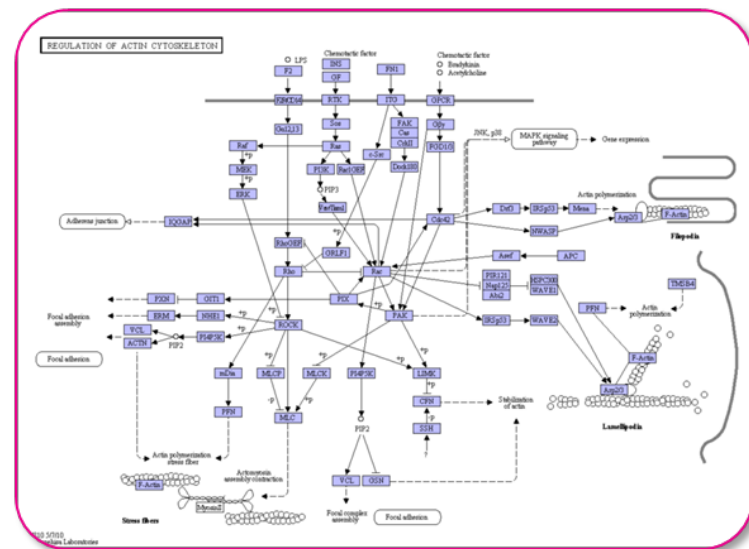
Clientèle visée

- Chercheurs en **biologie moléculaire**:

- Étudiants de 2^e et 3^e cycles
- Professeurs
- Personnel de laboratoire

- Départements ciblés**:

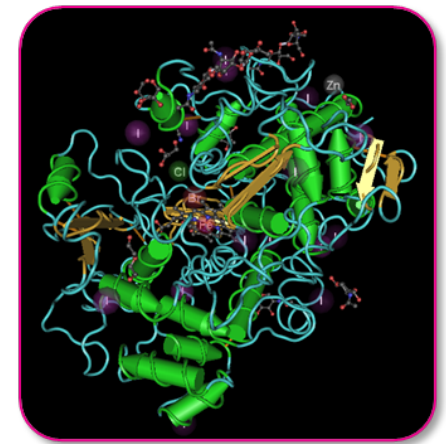
- Biochimie et médecine moléculaire
- Physiologie
- Pathologie et biologie cellulaire
- Microbiologie et immunologie





Consultation des parties prenantes

- **Rencontres départementales:** biochimie et microbiologie-immunologie
- Entrevue avec la **responsable des laboratoires** informatiques du département de biochimie
- Courriel aux **associations étudiantes** cibles



LA BIO-INFORMATIQUE EN BIBLIOTHÈQUE ?!

Ce qui se fait ailleurs

SONDAGE DU TERRAIN

Parties prenantes à consulter

DESCRIPTION DU NOUVEAU SERVICE

Activité de formation, référence spécialisée et guide en ligne

AUTRES POSSIBILITÉS DE COLLABORATION

Veille informationnelle

Activité de formation « Bases de données du NCBI » - objectifs

- Explorer les **ressources les plus utiles** au NCBI, dont les bases de données Gene, OMIM, CDD et BioSystems.
- Présenter les différences entre les sources de données primaires et les bases de **données à valeur ajoutée**.
- Mettre l'accent sur les **exercices pratiques** pour favoriser la **découverte**.





Référence spécialisée

- Aider à l'**identification** d'une ou plusieurs bases de données appropriées à l'information recherchée.
- Optimiser une **recherche par gène** dans PubMed.
- Quelques exemples:
 - "Mon article me fournit un numéro d'accès dans GenBank, mais où se trouve la séquence de l'ARN interférent que je veux utiliser?" (étudiante à la maîtrise en physiologie)
 - "Je cherche des articles sur le gène M28668 mais je ne trouve rien dans PubMed!" (étudiant de 3^e année en biochimie)
 - "Où trouver des données d'expression pour la protéine NPM1?" (étudiante au doctorat en biochimie)

Guide en ligne

Guides par discipline

Guides de cours

- Retour à la page d'accueil •

[Accès Admin]


Explorer le sujet Séquences et gènes Génomique Protéomique Systèmes Littérature

Bas de données: comment s'y retrouver?

Tutoriel des principales ressources (Open Helix)

Comment repérer parmi les **centaines de bases de données** disponibles celle qui vous convient? OpenHelix vous présente un [tour guidé](#) des principales ressources gratuites.

Guide annuel de *Nucleic Acids Research*




Dans ce numéro spécial, *NAR* présente des **mises à jour** de bases de données établies ainsi que de **nouvelles ressources**.

Consultez également la **compilation des 1330 bases de données publiées dans NAR** au fil des ans: [2011 NAR Database Summary Paper Category List](#). Voir aussi le numéro spécial annuel sur les serveurs: [2010 Web Server](#)


Livres électroniques de base

Voir tous les livres électroniques en [bio-informatique](#)


[Sequence Comparison : Theory and Methods](#)
[Aperçu dans Google livres](#)



[Bioinformatics for Systems Biology](#)
[Aperçu dans Google livres](#)



[Bioinformatics: A Concept-Based Introduction](#)
[Aperçu dans Google livres](#)




Bio-informatique théorique

Notre bibliothécaire



Natalie Clairoux

Bibliothèque :
Santé
Pavillon Roger-Gaudry,
local L-824-1



514 343-6111, poste
3585
natalie.clairoux@um...

Clavardez avec nous!

LA BIO-INFORMATIQUE EN BIBLIOTHÈQUE ?!

Ce qui se fait ailleurs

SONDAGE DU TERRAIN

Parties prenantes à consulter

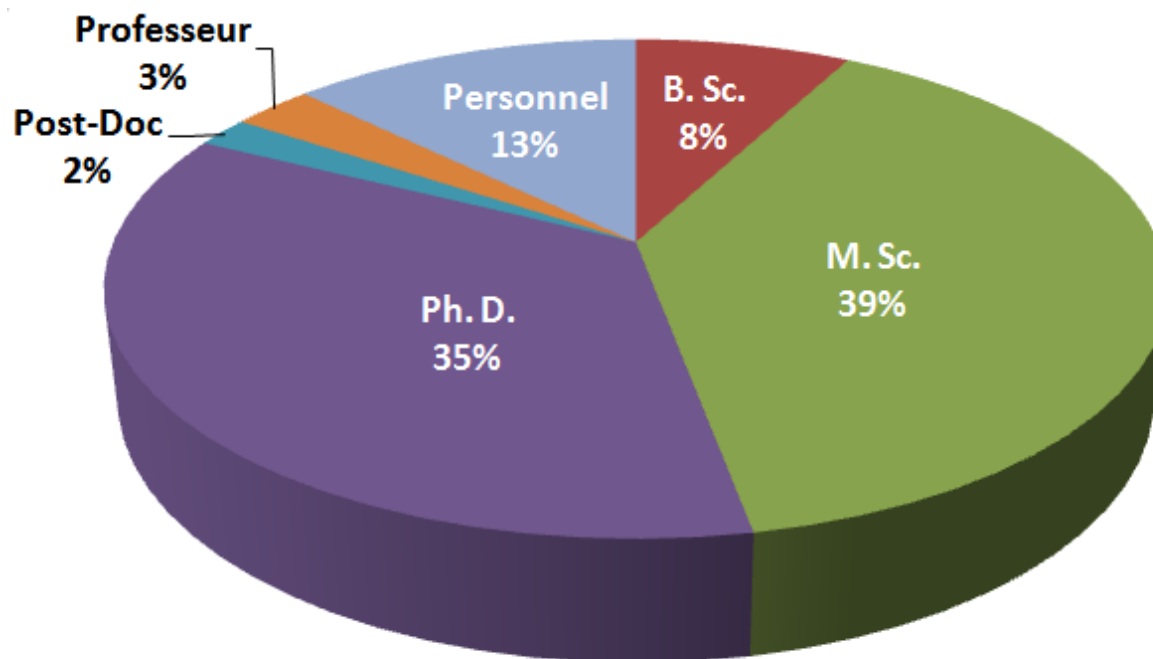
DESCRIPTION DU NOUVEAU SERVICE

Activité de formation, référence spécialisée et guide Web

ÉVALUATION DE LA FORMATION

Utilité et actions à venir

Provenance des participants (n=102)

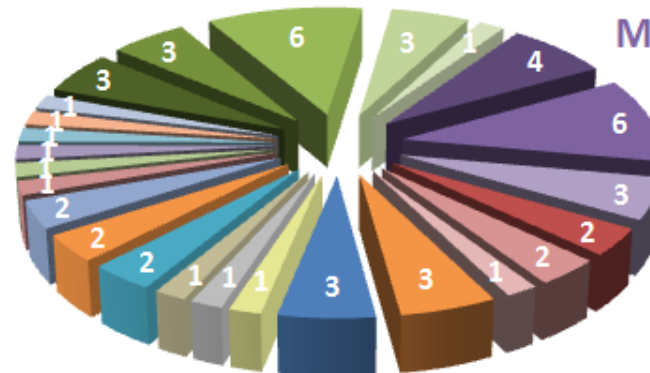


Provenance des répondants au questionnaire d'évaluation (n=55)

Biochimie / Bio-informatique (16)

Microbiologie - Immunologie (13)

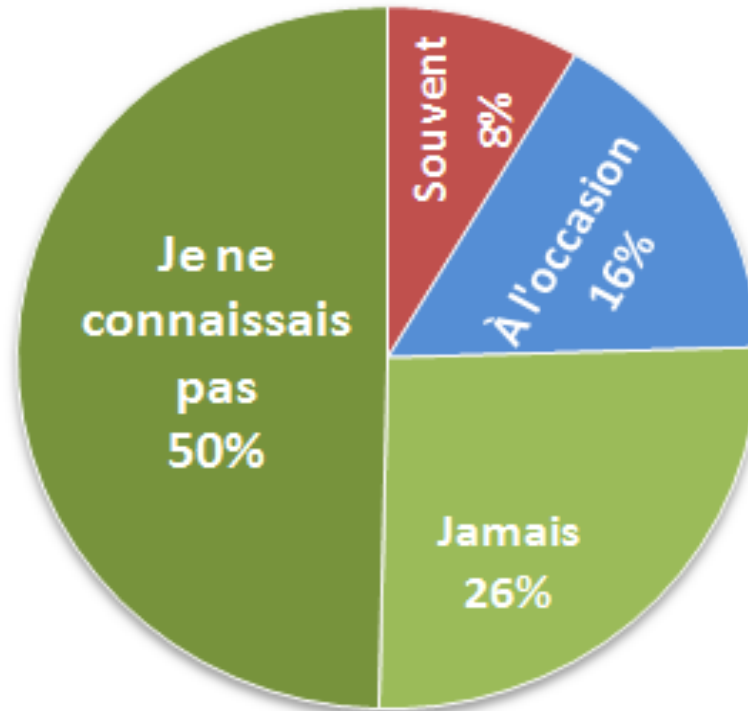
Pharmacie - Pharmacologie (5)



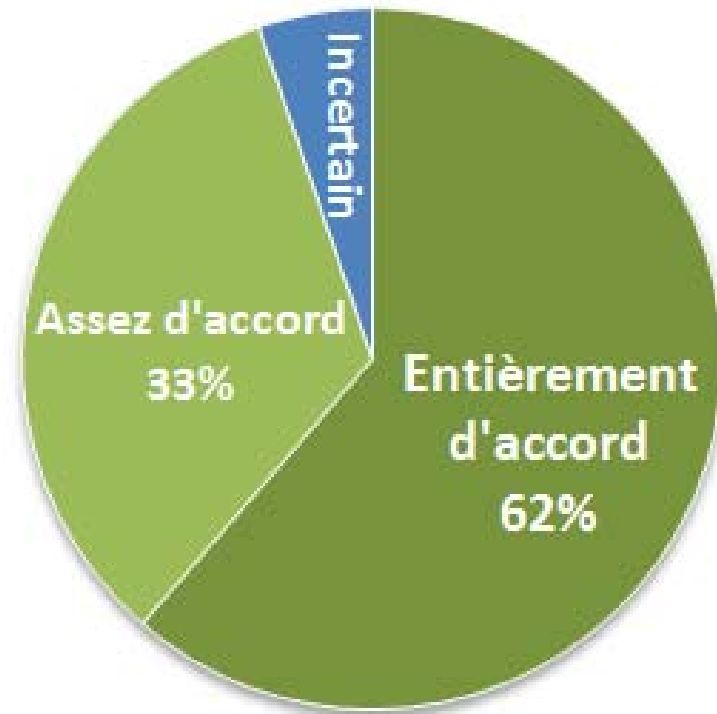
- B. Sc. Biochimie et médecine moléculaire
- Ph. D. Biochimie
- Professionnelle - Biochimie
- Ph. D. Microbiologie-immunologie
- M. Sc. Sciences pharmaceutiques
- Étudiant Autre- Pharmacie
- Non précisé
- Ph. D. Biologie moléculaire
- M. Sc. Sciences biomédicales
- M. Sc. Sciences vétérinaires
- Ph.D. Pathologie et biologie cellulaire

- M. Sc. Biochimie
- M. Sc. Bio-informatique
- M. Sc. Microbiologie-immunologie
- Professeur ou chercheur Microbiologie- immunologie
- Ph. D. Pharmacologie
- Personnel de laboratoire
- M. Sc. Biologie moléculaire
- B. Sc. Sciences biomédicales
- Ph. D. Sciences biomédicales
- Ph. D. Sciences vétérinaires
- Professeur ou chercheur Pathologie et biologie cellulaire

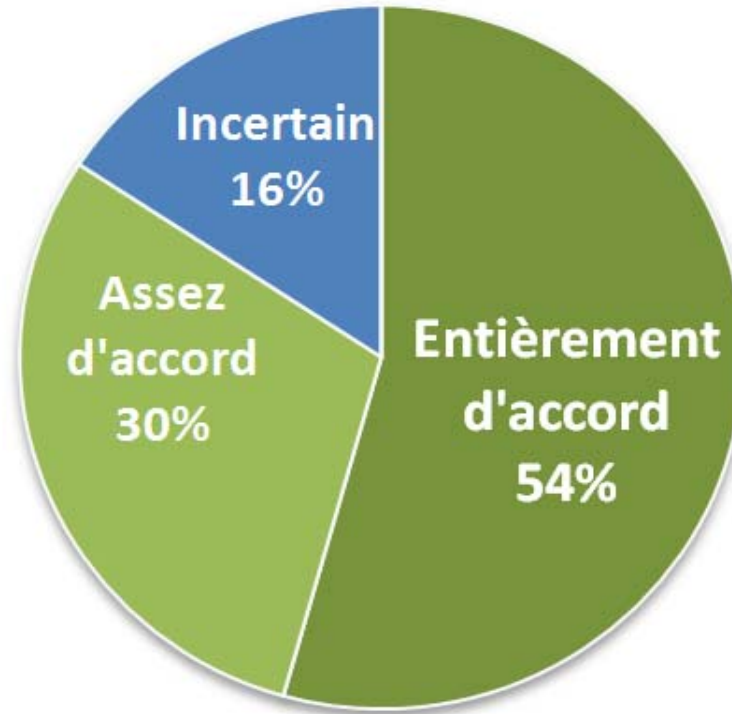
Les ressources du NCBI présentées étaient-elles connues/utilisées par les participants?



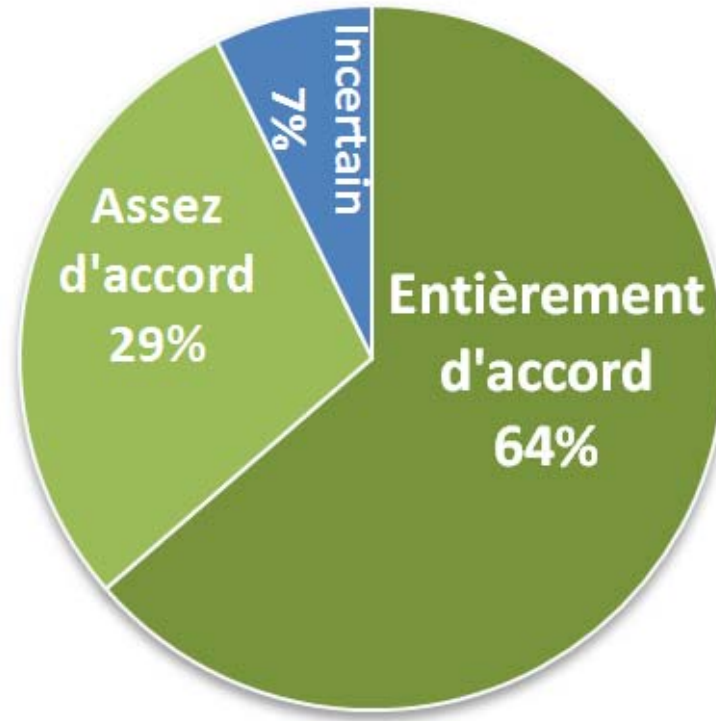
Les ressources présentées sont-elles pertinentes?



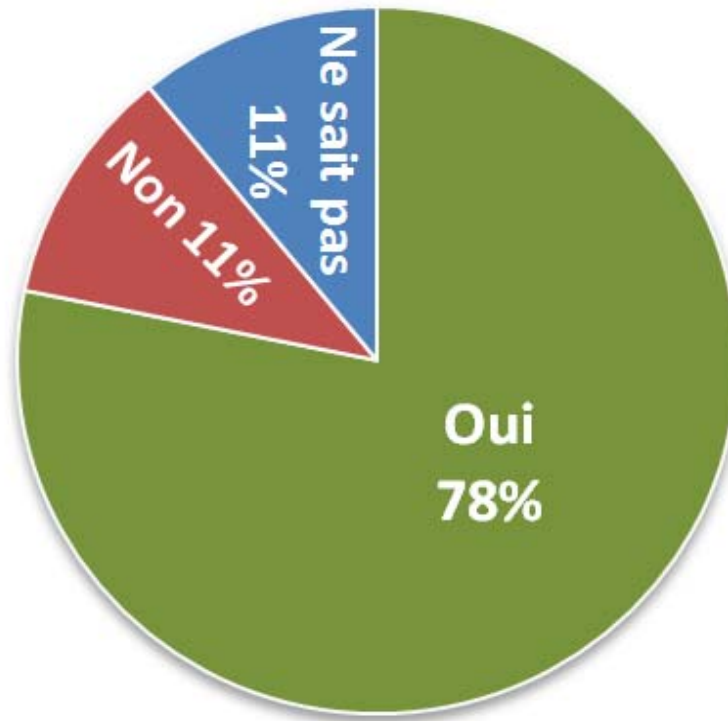
Le niveau de difficulté de la formation est-il adapté aux connaissances des participants?



Les participants trouveront-ils plus facilement l'information dont ils ont besoin?



La formation devrait-elle être intégrée au cursus d'un programme universitaire?



Actions à venir

- **Promotion du service** de bio-informatique (journées de la recherche, courriels, autres formations)
- **Intégration au cursus**: démarches auprès des départements
- Ajout de **formations complémentaires** (BLAST, ressources de l'EBI)

